



Detectando Moléculas

La compañía para la que Petr trabaja ha construido una máquina detectora de moléculas. Cada molécula tiene un peso entero positivo. La máquina tiene un *rango de detección* $[l, u]$, siendo l y u enteros positivos. La máquina puede detectar correctamente un cierto conjunto de moléculas si y solo si dicho conjunto contiene un subconjunto de moléculas tal que su peso total pertenezca al rango de detección de la máquina.

Formalmente, sean n moléculas con pesos enteros positivos w_0, \dots, w_{n-1} . La detección es exitosa si existe un conjunto de índices distintos $I = \{i_1, \dots, i_m\}$ tal que

$$l \leq w_{i_1} + \dots + w_{i_m} \leq u.$$

Debido a las particularidades de la máquina, se sabe que la diferencia entre l y u siempre es mayor o igual que la diferencia de peso entre la molécula más pesada y la más liviana. Formalmente, $u - l \geq w_{max} - w_{min}$, donde $w_{max} = \max(w_0, \dots, w_{n-1})$ y $w_{min} = \min(w_0, \dots, w_{n-1})$.

Su tarea es escribir un programa que, o bien encuentre algún subconjunto de moléculas con peso total en el rango de detección, o bien determine que no existe tal subconjunto.

Detalles de implementación

Deberá implementar una función:

- `int[] solve(int l, int u, int[] w)`
 - l y u : los extremos del rango de detección,
 - w : los pesos de las moléculas.
 - si existe el subconjunto pedido, la función debe retornar un arreglo de índices de moléculas que formen un subconjunto posible. Si hay múltiples respuestas correctas, retornar cualquiera de ellas.
 - si no existe el subconjunto pedido, la función deberá retornar un arreglo vacío.

Para el lenguaje C la signatura es levemente diferente:

- `int solve(int l, int u, int[] w, int n, int[] result)`
 - n : la cantidad de elementos de w (o sea, la cantidad de moléculas),
 - los demás parámetros son como se explicó antes.
 - en vez de retornar un arreglo de m índices, la función deberá escribir los índices en las primeras m posiciones del arreglo `result` y luego retornar m .
 - si no existe el subconjunto pedido, la función no debe escribir nada en el arreglo `result`, y deberá retornar 0.

Su programa puede escribir los índices en el arreglo retornado (o en el arreglo `result` en C) en cualquier orden.

Utilice los archivos de ejemplo provistos para ver los detalles de implementación en su lenguaje de programación.

Ejemplos

Ejemplo 1

`solve(15, 17, [6, 8, 8, 7])`

En este ejemplo se tienen cuatro moléculas, con pesos 6, 8, 8 y 7. La máquina puede detectar subconjuntos de moléculas con peso total entre 15 y 17, inclusive. Notar que $17 - 15 \geq 8 - 6$. El peso total de las moléculas 1 y 3 es $w_1 + w_3 = 8 + 7 = 15$, por lo que la función puede retornar `[1, 3]`. Otras respuestas posibles son `[1, 2]` ($w_1 + w_2 = 8 + 8 = 16$) y `[2, 3]` ($w_2 + w_3 = 8 + 7 = 15$).

Ejemplo 2

`solve(14, 15, [5, 5, 6, 6])`

En este ejemplo tenemos cuatro moléculas con pesos 5, 5, 6 y 6, y buscamos un subconjunto de ellas con un peso total entre 14 y 15, inclusive. Notar que $15 - 14 \geq 6 - 5$. No existe ningún subconjunto de moléculas con peso total entre 14 y 15 por lo que la función debe retornar un arreglo vacío.

Ejemplo 3

`solve(10, 20, [15, 17, 16, 18])`

En este ejemplo tenemos cuatro moléculas con pesos 15, 17, 16 y 18, y buscamos un subconjunto de ellas con peso total entre 10 y 20, inclusive. Nuevamente, notar que $20 - 10 \geq 18 - 15$. Cualquier subconjunto que contenga exactamente una molécula tiene peso total entre 10 y 20, y las respuestas correctas son: `[0]`, `[1]`, `[2]` y `[3]`.

Subtareas

1. (9 puntos): $1 \leq n \leq 100$, $1 \leq w_i \leq 100$, $1 \leq u, l \leq 1000$, todos los w_i son iguales.
2. (10 puntos): $1 \leq n \leq 100$, $1 \leq w_i, u, l \leq 1000$, y $\max(w_0, \dots, w_{n-1}) - \min(w_0, \dots, w_{n-1}) \leq 1$.
3. (12 puntos): $1 \leq n \leq 100$ y $1 \leq w_i, u, l \leq 1000$.
4. (15 puntos): $1 \leq n \leq 10000$ y $1 \leq w_i, u, l \leq 10000$.
5. (23 puntos): $1 \leq n \leq 10000$ y $1 \leq w_i, u, l \leq 500000$.
6. (31 puntos): $1 \leq n \leq 200000$ y $1 \leq w_i, u, l < 2^{31}$.

Evaluador de ejemplo

El evaluador de ejemplo lee la entrada con el siguiente formato:

- línea 1: enteros n, l, u .
- línea 2: n enteros: w_0, \dots, w_{n-1} .