



## Détection de molécules

Peter travaille dans une société qui a conçu une machine permettant de détecter des molécules. Chaque molécule a un poids entier strictement positif. La machine possède un *intervalle de détection*  $[l, u]$ , où  $l$  et  $u$  sont des entiers strictement positifs. Elle peut détecter un ensemble de molécules si et seulement si cet ensemble contient un sous-ensemble de molécules dont le poids total appartient à l'intervalle de détection de la machine.

Formellement, il s'agit de considérer  $n$  molécules avec des poids  $w_0, \dots, w_{n-1}$ . La détection est réussie s'il existe un ensemble d'indices distincts  $I = \{i_1, \dots, i_m\}$  tel que  $l \leq w_{i_1} + \dots + w_{i_m} \leq u$ .

Les caractéristiques de la machine nous garantissent que l'écart entre  $l$  et  $u$  est supérieur ou égal à celui entre la molécule la plus lourde et la molécule la plus légère. Formellement,  $u - l \geq w_{max} - w_{min}$ , où  $w_{max} = \max(w_0, \dots, w_{n-1})$  et  $w_{min} = \min(w_0, \dots, w_{n-1})$ .

Votre tâche est d'écrire un programme qui permet de trouver un sous-ensemble de molécules avec un poids total appartenant à l'intervalle de détection. Dans le cas contraire, il s'agit de signaler qu'un tel sous-ensemble est inexistant.

### Détails de l'implémentation

Vous devez implémenter une fonction:

- `int[] solve(int l, int u, int[] w)`
  - $l$  et  $u$ : les bornes de l'intervalle de détection,
  - $w$ : poids des molécules.
  - si le sous-ensemble recherché existe, la fonction doit retourner un tableau d'indices des molécules qui forment un tel sous-ensemble. S'il y a plusieurs réponses correctes, elle doit retourner l'une d'elles.
  - Si le sous-ensemble recherché n'existe pas, la fonction doit retourner un tableau vide.

Pour le langage C, la signature de la fonction est légèrement différente :

- `int solve(int l, int u, int[] w, int n, int[] result)`
  - $n$ : le nombre d'éléments dans  $w$  (c-à-d., le nombre de molécules),
  - les autres paramètres sont identiques à ceux cités précédemment.
  - au lieu de retourner un tableau de  $m$  indices (comme précité), la fonction doit écrire les indices dans les  $m$  premières cases du tableau `result` et puis

retourner  $m$ .

- si le sous-ensemble recherché n'existe pas, la fonction ne doit rien écrire dans le tableau `result` et doit retourner la valeur `0`.

Votre programme peut écrire les indices dans le tableau retourné (ou le tableau `result` en C) dans n'importe-quel ordre.

Employez les fichiers modèles fournis pour les détails de l'implémentation relatifs à votre langage de programmation.

## Exemples

### Exemple 1

`solve(15, 17, [6, 8, 8, 7])`

Dans cet exemple nous disposons de quatre molécules ayant comme poids respectivement 6, 8, 8 et 7. La machine peut détecter des sous-ensembles de molécules de poids total compris entre 15 et 17 inclus. Notez que  $17 - 15 \geq 8 - 6$ . Le poids total des molécules 1 et 3 est  $w_1 + w_3 = 8 + 7 = 15$ , donc la fonction peut retourner `[1, 3]`. D'autres réponses correctes sont `[1, 2]` ( $w_1 + w_2 = 8 + 8 = 16$ ) et `[2, 3]` ( $w_2 + w_3 = 8 + 7 = 15$ ).

### Exemple 2

`solve(14, 15, [5, 5, 6, 6])`

Dans cet exemple nous disposons de quatre molécules ayant comme poids respectivement 5, 5, 6 et 6, et nous cherchons un sous-ensemble de ces molécules avec un poids total compris entre 14 et 15 inclus. Notez encore une fois que  $15 - 14 \geq 6 - 5$ . Il n'y a aucun sous-ensemble de molécules de poids total compris entre 14 et 15 donc la fonction doit retourner un tableau vide.

### Exemple 3

`solve(10, 20, [15, 17, 16, 18])`

Dans cet exemple nous disposons de quatre molécules ayant comme poids respectivement 15, 17, 16 et 18, et nous cherchons un sous-ensemble de ces molécules avec un poids total compris entre 10 et 20 inclus. Notez encore une fois que  $20 - 10 \geq 18 - 15$ . Tout sous-ensemble contenant exactement un élément a un poids total entre 10 et 20, donc les réponses correctes possibles sont: `[0]`, `[1]`, `[2]` et `[3]`.

## Sous-tâches

1. (9 points):  $1 \leq n \leq 100$ ,  $1 \leq w_i \leq 100$ ,  $1 \leq u, l \leq 1000$ , tous les  $w_i$  sont égaux.
2. (10 points):  $1 \leq n \leq 100$ ,  $1 \leq w_i, u, l \leq 1000$ , et  $\max(w_0, \dots, w_{n-1}) - \min(w_0, \dots, w_{n-1}) \leq 1$ .

3. (12 points):  $1 \leq n \leq 100$  et  $1 \leq w_i, u, l \leq 1000$ .
4. (15 points):  $1 \leq n \leq 10\,000$  et  $1 \leq w_i, u, l \leq 10\,000$ .
5. (23 points):  $1 \leq n \leq 10\,000$  et  $1 \leq w_i, u, l \leq 500\,000$ .
6. (31 points):  $1 \leq n \leq 200\,000$  et  $1 \leq w_i, u, l < 2^{31}$ .

### Évaluateur fourni (grader)

L'évaluateur fourni lit les entrées selon le format suivant :

- ligne 1: les entiers  $n, l, u$ .
- ligne 2:  $n$  entiers:  $w_0, \dots, w_{n-1}$ .